


Анализ сигнальных путей с помощью Biopathways

Произвольная база данных

> Select pathway database

  **database:**

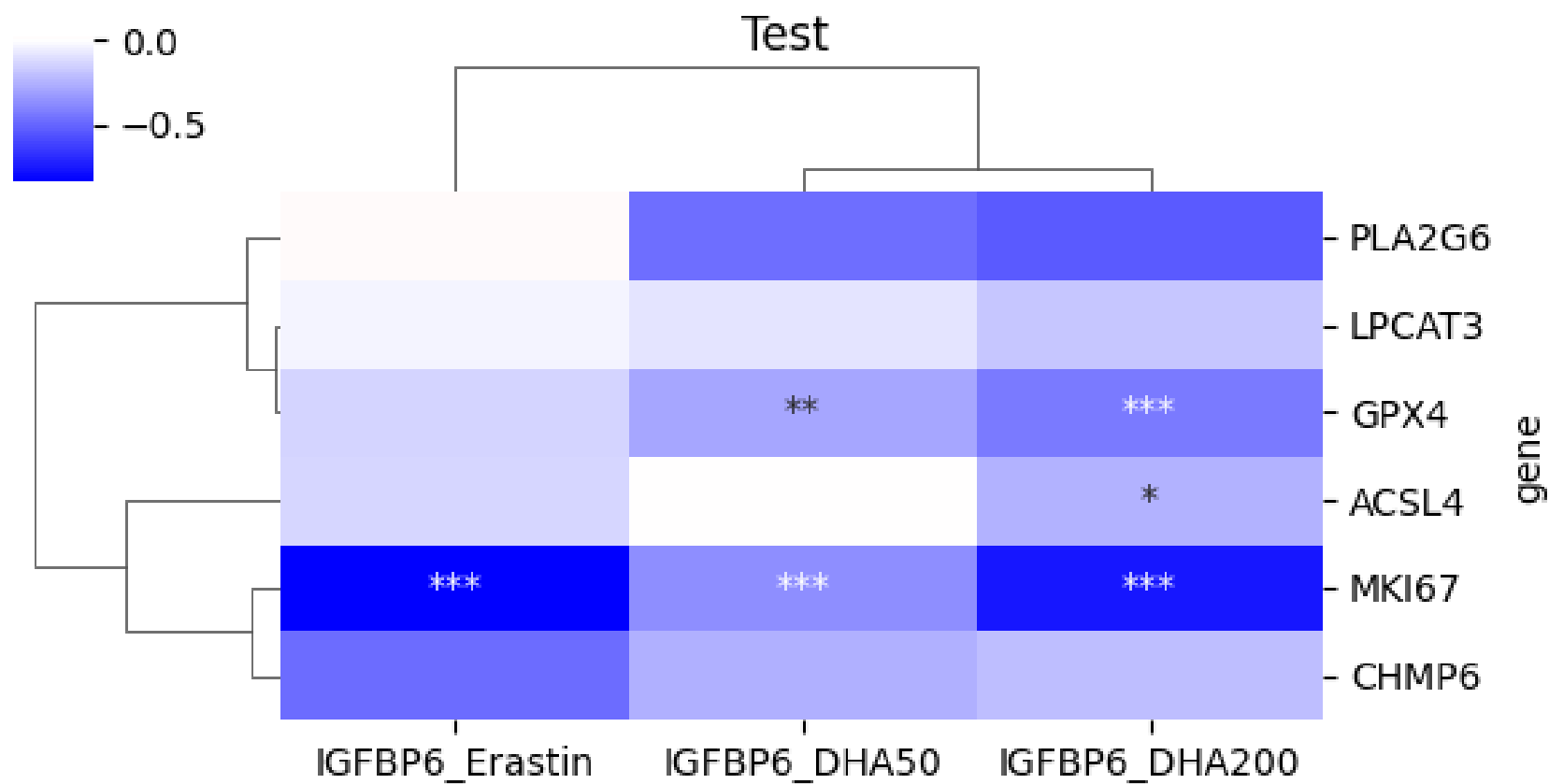
If you have chosen **custom** database, please define it below

pathway:

genes:

[Show code](#)

Произвольная база данных




Выбор нескольких линий и состояний

> Select cell lines

[22] **scale:**

Note: multiple values can be selected with `shift` and/or `ctrl` (or `command` for MacOS) pressed


[Show code](#)

 Cell Lines

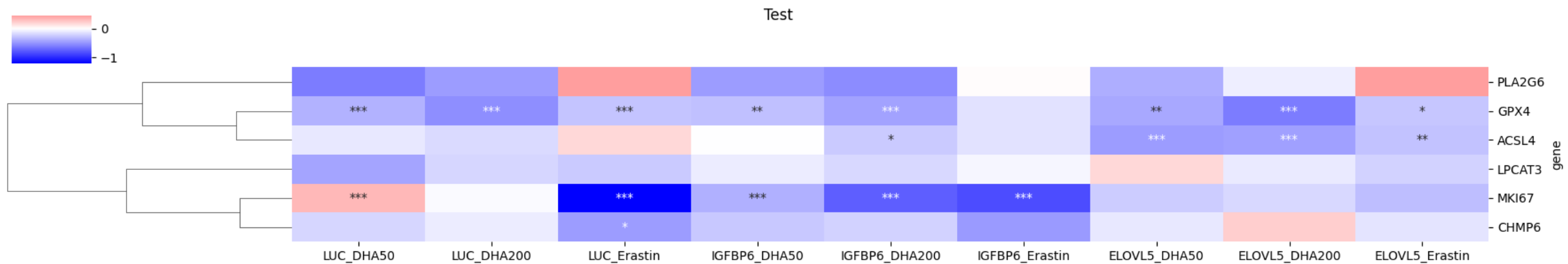
> Select conditions

s [23] **Note:** multiple values can be selected with `shift` and/or `ctrl` (or `command` for MacOS) pressed

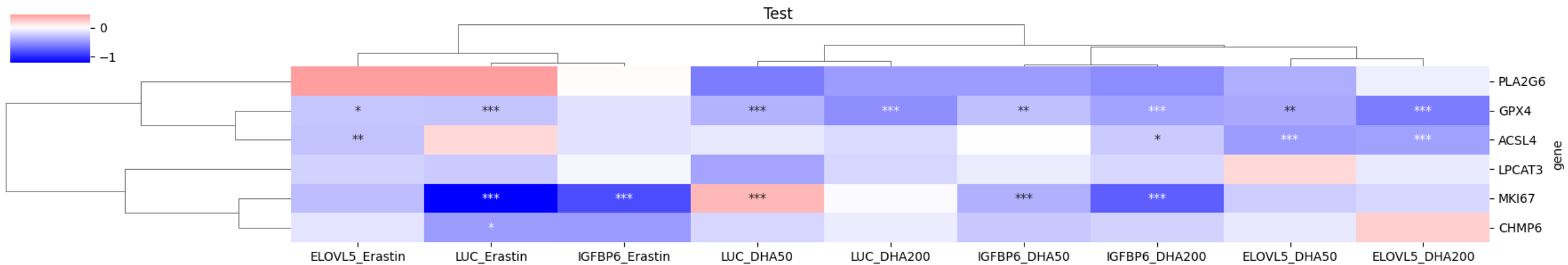
[Show code](#)

 Conditions

Выбор нескольких линий и состояний



Кластеризация по столбцам



Аннотация лигандов и рецепторов

> Choose receptors or ligands

enabled:

lr_choice:

[Show code](#)

- receptors
- ligands
- both**



HALLMARK_APOPTOSIS

